




















Eppendorf Biophotometer 蛋白核酸测定仪


操作快速入门

准备: 开始测定前只需要开启仪器背后的电源开关即可开始测定, 无需预热。


提示: 本操作指南适用于简单的实验操作, 更高级的功能和参数设置请参见仪器使用说明书。

核酸浓度测定 (dsDNA、ssDNA、RNA、Oligo)	蛋白质浓度的直接测定 (280 nm 测定)	蛋白质浓度显色法的间接测定 (Bradford、Lowry、BCA)	OD600 细菌生长密度测定
<ol style="list-style-type: none"> 按下  将空白对照置入样品孔 按下  仪器记录空白对照, 设置为 0.000A 将第一个样品置入样品孔 按下  仪器显示第一个样品的吸光度值和浓度值, 以及其他相关参考比值 直接放入第二个样品 按下  仪器显示第一个样品的吸光度值和浓度值, 以及其他相关参考比值 依次测定, 每个样品的测定值将自动存储在机器中, 查看测定结果的方法参见下表 	<ol style="list-style-type: none"> 按下  将空白对照置入样品孔 按下  仪器记录空白对照, 设置为 0.000A 将第一个样品置入样品孔 按下  仪器显示第一个样品的吸光度值和浓度值, 以及其他相关参考比值 依次测定, 每个样品的测定值将自动存储在机器中, 查看测定结果的方法参见下表 	<ol style="list-style-type: none"> 按下  或  或  选择蛋白质显色反应的方法, 注: Bradford 键按两次, 每次显示不同的测定浓度范围。 设置标准曲线的标准样品数量、测定次数和浓度范围 按下  用上下键   1) 选择设置菜单“NO.OFSTDS1-10”, 输入标样数, 按 Enter 键确认 2) 选择标样测定次数 1-3 次, 选择需要的次数, 按 Enter 键确认 3) 继续用上下键至 STD1.2.3... 的浓度设定, 输入浓度值, 按 Enter 键确认 4) 继续用上下键至“PARAMETER EXIT”, 按 Enter 键退出参数设置界面 3. 将空白对照置入样品孔 4. 按下  5. 仪器记录空白对照, 设置为 0.000A 6. 将第一个标准品或样品 (如需沿用已存储的标准曲线, 可直接测样品) 置入样品孔 7. 按下  或  8. 依次测定标样或样品, 每个样品的测定值将自动存储在机器中, 查看测定结果的方法参见下表 	<ol style="list-style-type: none"> 按下  将空白对照置入样品孔 按下  仪器记录空白对照, 设置为 0.000A 按下  仪器显示第一个样品的吸光度值 依次测定, 每个样品的测定值将自动存储在机器中, 查看测定结果的方法参见下表

查看各样品的测定结果

- 按下 
- 选择“DISPLAY-RESULT”, 按 **Enter** 键, 查看每个样品的测定值记录 (本机可存储 100 个样品的测定值)

设定样品的稀释度

- 按下需要测定的方法键
- 按下 
- 输入样品体积和稀释液体积, 按 **Enter** 确认

eppendorf